



Hallan nuevos marcadores de mal pronóstico en cáncer vesical

Un estudio dirigido por Joaquim Bellmunt, del Hospital del Mar, de Barcelona, y miembro del Comité Científico del Congreso sobre Cáncer Genitourinario que se celebra estos días en Orlando, en Florida, ha identificado una región cromosómica que indica peor supervivencia en los pacientes con cáncer de vejiga.

PÁG. 10

**ONCOLOGÍA** PERFILES GENÓMICOS QUE PREDICEN MENOR SUPERVIVENCIA EN TUMOR DE VEJIGA

Identifican nuevos marcadores de mal pronóstico en cáncer

→ Los resultados de un estudio dirigido por Joaquim Bellmunt, jefe de la Sección de Tumores Sólidos del Servicio de Oncología del Hospital

del Mar, de Barcelona, han identificado una región cromosómica que indica peor supervivencia en los pacientes con cáncer de vejiga.

■ **Karla Islas Pieck** Barcelona

El análisis de los determinantes genéticos de unas 150 muestras de pacientes afectados de tumores vesicales con evolución conocida aportará pistas para entender por qué algunos tumores responden a un determinado tratamiento y otros no, según ha comentado Joaquim Bellmunt, jefe de la Sección de Tumores Sólidos del Servicio de Oncología del Hospital del Mar, de Barcelona, y miembro del Comité Científico del Congreso sobre Cáncer Genitourinario que se celebra estos días en la ciudad de Orlando, en Florida (Estados Unidos).

Esta reunión científica, impulsada por la Sociedad Americana de Oncología Clínica (ASCO, por sus siglas en inglés), sirve de punto de partida para delinear los principales focos de interés en este tipo de tumores ante la celebración de su reunión anual el próximo mes de junio, y Bellmunt ha sido el único representante español seleccionado para intervenir en las sesiones.

Además de ofrecer una sesión sobre biología computacional, ha presentado los resultados preliminares de un estudio sobre el genoma de los tumores de vejiga que ponen sobre la mesa una región cromosómica que se asocia con mala supervivencia en el 15 por ciento de los



RAFA M. MARIN

Joaquim Bellmunt, del Servicio de Oncología del Hospital del Mar, de Barcelona.

Las alteraciones en una determinada región cromosómica podrían ayudar a predecir el efecto de un fármaco en un paciente con cáncer de vejiga

pacientes que están en tratamiento de quimioterapia con cisplatino.

Por el momento no ha revelado los detalles concretos sobre la zona del genoma identificada, ya que están pendientes los registros de las patentes correspondientes, así como su presentación en el próximo congreso de la ASCO, pero ha adelantado que ya se están estu-

diando algunos genes específicos que se espera que en el futuro puedan servir como marcadores para personalizar las terapias en estos pacientes.

La investigación, que se ha realizado en colaboración con la Universidad de Harvard y el Instituto Oncológico Dana Farber de Boston (Estados Unidos), ha utilizado las más sofisticadas tecnologías de análisis genómico, como la hibridación genómica comparativa en formato de *microarrays* (conocida como ACGH en siglas en inglés), con el objetivo de identificar asociaciones entre alteraciones genéticas y respuestas clínicas a la quimioterapia convencional.

Bellmunt ha comentado a

La tendencia en el tratamiento del cáncer se centra cada vez más en el perfil genómico de los pacientes y no en el lugar en el que aparece el tumor primario

DM que este tipo de investigación ha permitido encontrar similitudes en las alteraciones genéticas entre diferentes tipos de tumores, por lo que la tendencia en el futuro seguramente será a clasificar a los pacientes en función de su perfil genómico y no al lugar en el que se detecta el tumor primario, y así personalizar el tratamiento en cada caso.