

Chemotargets treu al mercat la interfície gràfica CTlink[GUI], més intuïtiva i fàcil d'utilitzar

CTlink és un software que pot instal·lar-se a qualsevol tipus d'ordinador i permet predir com una molècula petita interactua amb determinades proteïnes, una eina clau per les empreses biotecnològiques i farmacèutiques.

Chemotargets és una exitosa Spin off de l'IMIM (Institut Hospital del Mar d'Investigacions Mèdiques), creada l'any 2006, líder en farmacologia computacional, que té per objectiu el descobriment i disseny de nous fàrmacs.

Barcelona, 24 d'abril de 2015- **Una Spin off de l'IMIM, Chemotargets**, ha tret al mercat el **CTlink[GUI]**, una versió comercial del software CTlink que pretén oferir als usuaris eines gràfiques intuïtives i interactives per tal de facilitar l'anàlisi dels resultats obtinguts amb aquest 'software'.

CTlink pot instal·lar-se a qualsevol tipus d'ordinador Linux, Windows, o Mac, sigui de sobretaula o portàtil, i **permet predir com una molècula petita interactua amb milers de proteïnes**. Està dissenyat com un marc computacional per enllaçar les diverses entitats sistèmiques, és a dir, per enllaçar les molècules, les proteïnes, les vies, els efectes secundaris, els òrgans i les malalties. Una eina molt important per les empreses biotecnològiques i farmacèutiques.

Abans, per poder utilitzar CTlink, es necessitava un quimioinformàtic i que el software fós instal·lat en un servidor. Segons **Jordi Mestres**, president de Chemotargets i coordinador del Grup de recerca en Farmacologia de Sistemes del Programa d'Informàtica Biomèdica (GRIB) de l'IMIM i la UPF *“amb el llançament ara de **CTlink[GUI]**, no només ho pot fer servir el quimioinformàtic que hi hagi a l'empresa, sinó els centenars de químics, farmacòlegs i toxicòlegs que hi pugui haver en una empresa farmacèutica, per exemple”*. Afegeix a més que *“qualsevol persona, entitat o institució que li interessi saber contra quines proteïnes pot interaccionar una molècula petita – **sigui un fàrmac, un cosmètic, un element agroquímic o un contaminant ambiental** – ara pot fer servir aquesta plataforma”*.

Amb aquesta nova interfície gràfica, qualsevol químic, farmacòleg, toxicòleg o qualsevol altre investigador, pot dibuixar l'estructura de la molècula, enviar les dades al software perquè li calculi i li retornin els resultats. 'Només cal dibuixar, o carregar des d'un fitxer, l'estructura d'una o més molècules, s'entra al servidor i et retorna no només el que se sap de les proteïnes que interaccionen, sinó també una predicció de com interactuaran', afirma Jordi Mestres.

Per a comprendre millor el funcionament del seu *software*, Chemotargets ha preparat un vídeo tutorial de **CTlink[GUI]** ([Clicar aquí](#)). Si esteu interessats en el software o en voleu obtenir més informació, podeu enviar un missatge a ctlink@chemotargets.com

Contacte

Servei de Comunicació IMIM: Marta Calsina 93 316 0680 mcalsina@imim.es i Rosa Manaut 618 509 885 rmanaut@imim.es